

>Pel1_F

GCGTGACTGAGTAGAGCTCTTTGTTGGAGTTCTCYGGARCTCCCCGGGAGCCC
GTGCTCGCAKGGATCAACTTTCTTTGGGCCRCACCTAATCTGAATGATGTCATT
GCCTCAAAGCATCCARGGAGCTCGGGCTACSGKGTGTTTTCTCAGGASTAACT
CTCCSCTCTTTCCRCTGGTGTTCYCATGTTGTARGGTGACAAARARCAGARGARA
AAACAAAAGAACAAGCCWSCCTTAAATTGTCSGRCCAATCAARTGSTTTTTTA
AATTACCTTTACAAAATGCATCCMGTGATCCAACCTGGTGTAAATATTYATAGGCA
WGTTTCTGTTCTAMARAGGCATGTTTCGTCATAACACTCARTATTCCTCTCTGATC
CTCCTCTCTAAGCTGTTGTGAAAAWYYACA

>Pel1_R

GTAGGTAGAGAGGATCTGASTGTTACGACGAATATGCCTGCTTTAAACCATCCT
GCCTATSATATTACMCCARCTGGATCACTGSATGCWTTTTTGTATGKGTAACTA
AMAWTSCACTTGATTTGGCCCGACAATTTAARCTGGCTTTTGTCTTTTTGTTTTT
TCCTCTGCTCTTTGTCACCCTAAWRCATGAACTCCATCKKAAAAASCAGAAAAGT
TACTCCAGASGAAAACGCCCTTTATCCCGARCTCCYYGGATGCTTTGASGCAMT
GACATCATTCTGATGTCRCTGCGKCCCRWAGAAAGATGATCCCTGCRCTGCMW
SGGCTCCCGGGGASCTCCMSATGAACTCTTAACAAAGAGCGCTTACTTCASCTC
ATCCTCCTCAATGAACCMCTYCTTGTGGTGA